

焦馨怡



电话: 17826628019/ 邮箱: jxy587131@163.com / 地址: 上海

个人概述

复旦大学公共卫生专业硕士（流行病学 / 统计方向），中共党员。以共同一作在 Nature Microbiology、The Lancet Microbe 等发表多篇论文，擅长真实世界数据处理、研究设计、流行病学与统计分析、文献分析与结果解读及循证证据整合；同时具备临床医学背景与医学 AI / 数据落地能力，能将研究能力迁移到业务场景、把医学证据转化为可量化的研究与决策支持。求职方向：真实世界研究 / 卫生经济学 / 医学事务与医学策略。

曾任镇江市青年观察员、青年讲师团成员、江苏大学团委学生副书记（主席团成员）、校团委组织部副部长、班长、团支部书记等职务。

教育背景

复旦大学 | 公共卫生 | 硕士 2024.09 – 2027.06

• 绩点**专业前 10%**；研究方向：流行病学、传染病、病毒、统计学。

江苏大学 | 临床医学 | 本科 2019.09 – 2024.06

• 绩点**专业前 5%**，连续多年获校奖学金；大学英语四 / 六级 **517 / 528**，考研英语 **86 分**。

荣誉奖项

国家级 全国大学生基础医学创新研究论坛 **银奖（华东赛区一等奖）**，2021)

省级 **江苏省优秀共青团员**（共青团江苏省委，2021）；江苏省教育系统“主题教育”读书征文《雨过后的深蓝》**一等奖**（省教育系统关工委，2023.12）；江苏省思政技能大比武二等奖（基层团支书专项，2021）；江苏省青马工程·菁英人才学校第十四期结业（2020–2021）

校级 复旦大学优秀共青团员、优秀学生干部、党员评议优秀、团员评议优秀；江苏大学多次获评优秀共青团员（2019/2020/2023）、优秀学生干部、优秀共青团干部、优秀部长、优秀干事；“学党史”微团课比赛**校级一等奖**（2021）、暑期“三下乡”社会实践先进个人（2021）

—— 累计获校级以上表彰 **30 余项**；曾任团委学生副书记、校团委组织部副部长、专硕班班长、团支部书记等学生组织与团学任职。

专业技能与研究方法

编程与工具 R、Python、SQL、Linux；统计分析与出版级数据可视化。

统计与研究设计 回归分析、生存分析等统计学分析；真实世界研究、队列、横断面研究；。

数据分析 宏基因组 / 宏转录组（mNGS）、转录组、单细胞与空间转录组分析；耐药基因（ARG）/ 毒力因子（VF）分析。

数据库 / 资源 TCGA、NCBI 等公共数据库检索与整理；文献检索、循证证据整合与结果解读。

科研经历

Nature Microbiology (IF 20.5) · 共同一作 · 梅尔贝科病毒研究 2025.05 – 2026.06

《Addressing the zoonotic threat of merbecoviruses》doi: 10.1038/s41564-026-02397-1

• 系统整编 merbeco 病毒宿主谱与受体利用数据，开展跨物种传播风险数据分析；完成出版级科研图件与数据可视化，并参与分子对接 / 结构分析等计算验证，支撑病毒溢出风险评估与致病机制解释。

The Lancet Microbe (IF 21.6) · 共同一作 · 蜱传病毒研究 2025.05 – 2025.09

《Tick-borne viruses: moving the dial on diagnostics with diverse technological advances》doi: 10.1016/j.lanmic.2025.101234

• 系统综述蜱传病毒诊断技术进展，横向比较不同检测方法的病原覆盖与应用场景；基于 NCBI 等公共数据库检索整理病毒序列、宿主分布与流行病学数据，分析全球蜱传病毒诊断监测现状与技术趋势。

ESCMID Global 会议 · 共同一作 · 肺移植患者真实世界研究队列 2024.09 – 2026.06

《Real-world clinical impact of mNGS-based antibiotic resistance gene profiling in managing pneumonia among lung transplant recipients: a cohort study》

• 参与肺移植后肺炎患者真实世界队列研究，对 mNGS 耐药基因（ARG）谱与临床数据进行统计分析，评估耐药基因谱与抗感染治疗决策及临床结局的关联；承担数据整理、统计结果解读与图表制作。

急性结膜炎患者 mNGS 队列 · 真实世界研究（独立作者文章在投） 2024.09 – 2026.06

• 基于急性结膜炎患者队列，运用无靶向宏基因组 / 宏转录组测序（mNGS），主导完成病原谱鉴定、耐药基因（ARG）与毒力因子（VF）分析及宿主免疫反应解析，负责生信分析流程搭建与结果可视化，为眼部感染精准病原诊断与致病机制研究提供依据。

全国大学生基础医学创新论坛项目 · 华东赛区一等奖 / 国家级银奖 2022.05 – 2023.09

• 带队开展“顺铂调控肿瘤免疫微环境”研究，基于 TCGA 数据集与单细胞转录组分析，解析顺铂对肿瘤微环境及 CTL 功能因子的影响并提出机制假设；负责全部单细胞分析、TCGA 数据处理与项目答辩。

实习经历

上海罗氏制药有限公司 | Medical Affairs · AI & Digital | 实习 2026.01 – 至今

• 骁悉价值量化预测模型（独立负责）：基于肾移植免疫抑制剂真实世界研究，独立完成证据梳理、参数体系构建与模型开发，搭建预算影响分析与成本效果分析，将真实世界证据转化为可量化的药物价值评估工具。

• 医学 AI 智能体（主负责 / 协助）：主导医学材料审阅 Agent 的审核规则设计与 prompt 迭代，并参与患教材料生成 workflow 建设。材料审阅已上线 **8 个疾病领域**、累计审阅 **200 份**，准确度提升 **30%**、效率提升 **70%**。

广西行知生物科技有限公司 | 高级生物信息分析员 | 兼职 2025.06 – 2026.08

• 独立完成 **10+** 个多组学（转录组 / 单细胞 / 空间转录组）生信分析项目，并搭建生信报告 / 代码审核 AI Skill，支持个性化场景下的高效质检。

OPC 学术分析智能体 | 个人项目 2025.05 – 2026.08

• 设计与搭建覆盖医学文献检索、翻译精读、证据梳理的学术分析 Agent；单篇文献翻译分析由 **2 小时缩短至 10 分钟**，专题检索每 100 篇由 **40 小时缩短至 2 小时**，单篇成本降至 **¥0.02**。